

Жеке өтініш нөмірі (Индивидуальный номер заявки):	999999999
Науқас, жынысы (Пациент, пол):	(М)
Туылған күні, жас (Дата рождения, возраст):	21.08.1999 (26 лет)
Науқастың ЖСН/шетелдіктер үшін паспорт нөмірі (ИИН пациента/№ паспорта, для иностранцев):	-
Тұрғылықты мекенжайы, азаматтық (Адрес проживания, гражданство):	-
Дәрігер, ID (Врач, ID):	
Медициналық ұйым (Медицинская организация):	
Үлгі алынған күні және уақыты (Проба взята):	15.05.2026 13:37
Үлгі түскен күні және уақыты (Проба поступила):	18.05.2026 03:59
Дәрігердің растау күні (Подтверждено врачом):	20.05.2026 16:53
Нәтиже шығарылған күні (Дата печати результата):	21.05.2026

Зерттеу (Исследование)	Нәтиже (Результат)	Түсіндірме (Комментарий)
Андрофлор (уретр.соскоб)	СМ.КОММ.	Результат исследования прилагается на отдельном бланке
Исполнитель Аксенова А.В., Врач клинической лабораторной диагностики		

Түсіндірме (Комментарий):

Локализация: Соскоб эпителиальных клеток уретральный

Подпись заведующего лабораторией ТОО «ИНВИТРО-Қазақстан» Поповой М.А. в настоящем бланке не является подписью лица, выполняющего лабораторные исследования; указанная подпись подтверждает подлинность и достоверность указанной в настоящем бланке информации, подготовленной на основании результатов лабораторных исследований, выполненных ООО «ИНВИТРО».

Внимание! В электронном экземпляре бланка название исследования содержит ссылку на страницу сайта с описанием исследования. INVITRO.KZ

Результаты исследований не являются диагнозом, необходима консультация специалиста.

М.П. / Подпись врача

**Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин
методом ПЦР в режиме реального времени**

Андрофлор®_А

ПОЛ: Муж
 Возраст: 26 лет
 ИНЗ:
 Дата взятия образца: 15.05.2026 11:37
 Дата печати результата: 20.05.2026 15:00

ИНВИТРО-Казахстан ТОО
 8 (707) 2 585 888
 Актобе, пр-т Тауелсиздик, д. 14/21

№	Название исследования	Результат	
		Количественный	Относительный Lg(X/СВМО)
	Геномная ДНК человека	10 4.3	<input type="checkbox"/>
1	Общая бактериальная масса	10 3.8	<input type="checkbox"/>
Транзиторная микрофлора			
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Нормофлора			
3	Staphylococcus spp.	10 3.7	
4	Streptococcus spp.	не выявлено	
5	Corynebacterium spp.	10 3.7	
	Сумма: Нормофлора	10 4.0	<input type="checkbox"/>
УПМ, ассоциированные с баквагинозом			
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	<input type="checkbox"/>
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
9	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
12	Atopobium cluster	не выявлено	<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ анаэробы			
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
14	Anaerococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
16	Eubacterium spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ анаэробы	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ Haemophilus spp.			
17	Haemophilus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.			
18	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.			
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Дрожжевые грибы			
20	Candida spp. *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Патогены			
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
24	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>

100

% от СВМО

4 5 6 7 8 Lg
логарифмическая шкала

* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.
 ДНК дрожжевых грибов Candida spp. не выявлена.
 Структура бактериального микробиома соответствует норме.

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор[®], Андрофлор[®] Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;

- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин*.

- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза.

Для удобства трактовки результатов** в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, *Lactobacillus* spp.):



- соответствие критериям



- не соответствие критериям

Нормофлора:



- соответствие критериям нормы



- умеренное отклонение от критериев нормы



- выраженное отклонение от критериев нормы

УПМ и дрожжеподобные грибы:



- соответствие критериям нормы



- умеренное отклонение от критериев нормы



- выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:



- не выявлено



- обнаружено

Дополнительно, с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

* Horner PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. *Int J STD AIDS*, 2016 Oct;27(11):928-37.

** более подробно алгоритм трактовки результатов представлен на <http://www.dna-technology.ru>.