

Жеке өтініш нөмірі (Индивидуальный номер заявки):	999999999
Науқас, жынысы (Пациент, пол):	(Ж)
Туылған күні, жас (Дата рождения, возраст):	11.11.1999 (26 лет)
Науқастың ЖСН/шетелдіктер үшін паспорт нөмірі (ИИН пациента/№ паспорта, для иностранцев):	-
Тұрғылықты мекенжайы, азаматтық (Адрес проживания, гражданство):	-
Дәрігер, ID (Врач, ID):	
Медициналық ұйым (Медицинская организация):	
Үлгі алынған күні және уақыты (Проба взята):	28.05.2026 09:00
Үлгі түскен күні және уақыты (Проба поступила):	01.06.2026 16:16
Дәрігердің растау күні (Подтверждено врачом):	01.06.2026 16:49
Нәтиже шығарылған күні (Дата печати результата):	01.06.2026

Зерттеу (Исследование)	Нәтиже (Результат)	Түсіндірме (Комментарий)
Андрофлор (эякулят)	СМ.КОММ.	Результат исследования прилагается на отдельном бланке.

Исполнитель Аксенова А.В., Врач клинической лабораторной диагностики

Түсіндірме (Комментарий):

Локализация: Эякулят, ПЦР

Подпись заведующего лабораторией ТОО «ИНВИТРО-Қазақстан» Поповой М.А. в настоящем бланке не является подписью лица, выполняющего лабораторные исследования; указанная подпись подтверждает подлинность и достоверность указанной в настоящем бланке информации, подготовленной на основании результатов лабораторных исследований, выполненных ООО «ИНВИТРО».

Внимание! В электронном экземпляре бланка название исследования содержит ссылку на страницу сайта с описанием исследования. INVITRO.KZ

Результаты исследований не являются диагнозом, необходима консультация специалиста.

М.П. / Подпись врача

**Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин
методом ПЦР в режиме реального времени**

Андрофлор®_А

ПОЛ: Жен
 Возраст: 26 лет
 ИНЗ:
 Дата взятия образца: 28.05.2026 07:00
 Дата печати результата: 01.06.2026 15:01

ИНВИТРО-Казахстан ТОО
 Алматы

№	Название исследования	Результат		% от СВМО
		Количественный	Относительный Lg(X/СВМО)	
	Геномная ДНК человека	не выявлено	■	
1	Общая бактериальная масса	не выявлено	■	
Транзиторная микрофлора				
2	Lactobacillus spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
Нормофлора				
3	Staphylococcus spp.	не выявлено		
4	Streptococcus spp.	не выявлено		
5	Corynebacterium spp.	не выявлено		
	Сумма: Нормофлора	не выявлено		<input type="checkbox"/>
УПМ, ассоциированные с баквагинозом				
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено		<input type="checkbox"/>
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
9	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
12	Atopobium cluster	не выявлено		<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	не выявлено		<input type="checkbox"/>
УПМ анаэробы				
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
14	Anaerococcus spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
16	Eubacterium spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ анаэробы	не выявлено		<input type="checkbox"/>
УПМ Haemophilus spp.				
17	Haemophilus spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
УПМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.				
18	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.				
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
Дрожжевые грибы				
20	Candida spp. *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Патогены				
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
24	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	

* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

4 5 6 7 8
логарифмическая шкала Lg

Заключение

Недостаточное количество биологического материала для характеристики микробиома.

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор® Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;

- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин*.

- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза.

Для удобства трактовки результатов** в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, *Lactobacillus* spp.):



- соответствие критериям



- не соответствие критериям

Нормофлора:



- соответствие критериям нормы



- умеренное отклонение от критериев нормы



- выраженное отклонение от критериев нормы

УПМ и дрожжеподобные грибы:



- соответствие критериям нормы



- умеренное отклонение от критериев нормы



- выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:



- не выявлено



- обнаружено

Дополнительно, с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

* Horner PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. *Int J STD AIDS*, 2016 Oct;27(11):928-37.

** более подробно алгоритм трактовки результатов представлен на <http://www.dna-technology.ru>.